

Fig. 1SEQ ID NO: 1

TGGAAAGATGTTACTTCATCTCCCAGGTTGCTCACTGCAAATACAAT
CCTGAGAACTGAACCTAGGGCCTTAAAGTCCTGACATGCATGGCTTGGT
TTTGTGGATTGCCTCTCTCAACAGGTGGTGAATTTACCAAATCCTTT
GAATTGATGTCCCCAAAGTGCAGTGCTGATGCTGAGAACAGTTCAAA
GAAAGCATGGAGAAATCATCATACTCCGACTGGCTAATAAATAACAGC
ATTGCTGAGCTGGTTGCTTCAACAGGCCTCCAGTGAACATCAGTGAT
GCCTACCAGGATCCCGCGCTTGATGCAGAGGCAGACAGATATCTGGT
TTTCACATAAGATCTGTTCTTGTGTCCTATTGGAATAGCAACCAC
CAAATAATTGGAGTGGCTCAAGTGTAAACAGACTTGATGGAAACCT
TTTGATGATGCAGATCAACGACTTTGAGGCTTGTATCTTTGT
GGACTTGGCATCAACAAACACAATTATGTATGATCAAGTGAAGAAGTCC
TGGGCCAAGCAGTCTGGCTCTGATGTGCTATCACCATGCAACA
TGTTCAAAAGCTGAAGTTGACAAGTTAACGGCAGCCAACATCCCTCTG
GTGTCAGAACTTGCATCGATGACATTCAATTGATGACTTTCTCTC
GACGTTGATGCCATGATCACAGCTGCTCTCCGGATGTTCAEGGAGCTG
GGGATGGTACAGAAATTAAAATTGACTATGAGACACTGTGTAGGTGG
CTTTGACAGTGAGGAAAAACTATCGGATGGTTCTATACCACAACTGG
AGACATGCCTTCAACGTGTGTCAGCTGATGTTCGCGATGTTAACCACT
GCTGGGTTCAAGACATTCTGACCGAGGTGGAAATTAGCGGTGATT
GTGGGATGCCTGTGTCATGACCTCGACCACAGGGGAACCAACAATGCC
TTCCAAGCTAAGAGTGGCTCTGCCCTGGCCCAACTCTATGGAACCTCT
GCTACCTGGAGCATCACCATTCAACCACGCCGTGATGATCCTTCAA
AGTGAGGGTCACAATATCTTGCTAACCTGTCCCTCCAAGGAATATAGT
GACCTTATGCAGCTTGAAGCAGTCAATATTGGCAACAGACCTCACG
CTGTACTTGAGAGGGAGAACTGAATTCTTGAACTTGTCAAGTAAAGGA
GAATACGATTGGAACATCAAAACCACCGTGAATATTTGATCAATG
TTAATGACAGCCTGTGACCTGGAGCCGTGACCAAACCGTGGGAGATC

- 2/3 -

TCCAGACAGGTGGCAGAACTTGTAACCAGTGAGTCTTCGAACAGGA
GATCGGGAGAGATTAGAGCTCAAACACTCACTCCTCAGCAATTGGAT
CGGAACCGGAAGGGATGAAC TGCCCTGGTTGCAACTGGAGTGGATTGAT
AGCATCTGCATGCCTTGTATCAGGCACTGGTGAAGGTCAACGTGAAA
CTGAAGCCGATGCTAGATTCACTAGCTACAAACAGAAGTAAGTGGAA
GAGCTACACCAAAACGACTGCTGGCCTCAACTGCCTCATCCTCC
CCTGCCAGTGTATGGTAGCCAAGGAAGACAGGAAC TAAACCTCCAGG
TCAGCTGCAGCTGCAAAATGACTACAGCCTGAAGGGCCATTTCAGTC
CAGCAATGTCATCCTTTGTTCTTTAGCTCAGAAAGACCTAACATCT
CAAGGATGCACTGGGAACCATGCCTGGGCTTCACCTTGAAGCATGGT
CAGCAGCA

Fig. 2**SEQ ID NO: 2**

MSPKCSADAENSFKESMEKSSYSDWLINNSIAELVASTGLPVNISDAY
QDPRFDAEADQISGFHIRSVLCVPIWNSNHQIIGVAQVLNRLDGKPF
DADQRLFEAFVIFCGLGINNTIMYDQVKKSWAKQSVALDVLSYHATCS
KAEVDKFKAANIPLVSELAIDDIHFDDFSLDVDAMITAALRMFMELGM
VQKFKIDYETLCRWLLTVRKNYRMVLYHNWRHAFNVCQLMFAMLTAG
FQDILTEVEILAVIVGCLCHLDHRGTNNAFQAKSGSALAQLYGTSAT
LEHHHFNHAVMILQSEGHNIFANLSSKEYSDLMQLLQSIATDLTLY
FERRTEFFELVSKGEYDWNIKNHRDIFRSMLMTACDLGAVTKPWEISR
QVAELVTSEFFEQQGDRERLELKLTSAIFDRNRKDELPRLQLEWIDSI
CMPLYQALVKVNVKLKPM LDSVATNRSKWEELHQKRLLASTASSSSPA
SVMVAKEDRN

Fig. 3**SEQ ID NO: 3**

5' - CATGACCTCGACCACAGGG - 3'

Fig. 4**SEQ ID NO: 4**

5' - TAGAGTTGGGCCAGGGCAG - 3'

Fig. 5**SEQ ID NO: 5**

5' - AACCAACAATGCCTTCCAAGCTAAGAGTGG - 3'